

Descubren perfil genético del sida

Publicado el: 12-12-2017

Un gen productor de una proteína podría inhibir la entrada del virus del VIH al organismo. El Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (Conicet) de Argentina anunció en Buenos Aires el descubrimiento de un perfil genético del sida. En colaboración con otros centros internacionales, científicos del Conicet descubrieron que "la vulnerabilidad a la infección por el VIH y el desarrollo del sida dependen del número de copias que cada individuo posee de un gen del sistema inmunológico, denominado CCL3L1".

El anuncio agrega que "dicho gen produce una proteína que es un potente inhibidor de la entrada del VIH a la célula, ya que bloquea al correceptor CCR5, una de las principales puertas que utiliza el virus para producir la infección".

Mundialmente, el estudio fue liderado por el doctor Sunil Ahuja de la universidad estadounidense de Texas, y en él participaron las investigadoras del Conicet Andrea Mangano y Luisa Sen, del Laboratorio de Biología Celular y Retrovirus del hospital Garrahan de Buenos Aires, y Rosa Bologna del Servicio de Infectología. Para llegar a esas conclusiones, los científicos estudiaron a más de 4.300 personas infectadas y no infectadas por el VIH, de diferentes grupos étnicos, reseñó DPA.

El único grupo pediátrico estudiado fue de 800 niños argentinos, pacientes del Garrahan, expuestos al virus por transmisión vertical de madre a hijo, agregó la nota oficial del Conicet, distribuida ayer en rueda de prensa. La investigación evaluó la posibilidad de que individuos con un menor número de copias del gen CCL3L1 sean más susceptibles a la infección por VIH y a desarrollar la enfermedad del sida. Se halló un número promedio de copias diferente en cada grupo étnico.

Por ejemplo, el grupo estudiado en el Garrahan tiene un promedio de dos copias, lo mismo que el grupo de adultos de origen europeo; mientras que los adultos afroamericanos tienen cuatro. De acuerdo a cada población, los individuos infectados por el VIH tienen menor número de copias del CCL3L1 que los no infectados. El hallazgo indica que la "composición genética" de cada individuo juega un rol importante en la predisposición a adquirir la infección y a desarrollar el sida, y abre el camino hacia nuevas metodologías que contribuyan a identificar el riesgo de adquirir la infección.

"En el futuro permitirá adaptar los tratamientos y avanzar en el desarrollo de nuevos fármacos y vacunas", agrega la información de los científicos argentinos. Este es el segundo hallazgo importante en relación con el VIH publicado esta semana.

En Alemania, según difundió Reuters, un grupo de científicos descubrió una nueva forma de impedir la réplica del virus de inmunodeficiencia humana (VIH), lo que ofrece esperanzas en momentos en que dicho virus ha incrementado su resistencia a las terapias existentes. Joachim Hauber, profesor del Instituto Heinrich-Pette en Hamburgo, Alemania, dijo el martes que su equipo había identificado una proteína en células humanas que es utilizada por el VIH para multiplicarse. Posteriormente, los científicos realizaron pruebas con químicos que bloquean la acción de dicha proteína.